



INSTYTUT GENETYKI ROŚLIN POLSKIEJ AKADEMII NAUK

Strzeszyńska 34, 60-479 Poznań

Tel. centrala: 61 6550200, sekretariat: 61 6550255 E-mail: office@igr.poznan.pl www.igr.poznan.pl
NIP: 7811621455 REGON: 000326204 BDO: 000017736

Znak sprawy: ZP.242.4/ZSiFG.2024

Poznań, dnia 17.06.2024 r.

DOTYCZY: usługi sekwencjonowania mRNA z wykorzystaniem platformy Illumina, wyizolowanego z liści łubinu białego dla Instytutu Genetyki Roślin Polskiej Akademii Nauk.

I. Wykonawca zadał pytania następującej treści:

Pytanie 1)

Prosimy o wyrażenie zgody na złożenie oferty z długością sekwencjonowania 2 x 100bp zamiast 2 x 150bp, ponieważ w tego typu analizach ważna jest liczba odczytów.

Odpowiedź:

Zamawiający nie wyraża zgody na zmianę realizacji usługi.

Pytanie 2)

Zamawiający w warunkach udziału w postępowaniu wobec Wykonawcy określił kryterium konieczne do spełnienia jeśli "w okresie ostatnich trzech lat przed upływem terminu składania ofert, a jeżeli okres prowadzenia działalności jest krótszy – w tym okresie, wykonał należycie co najmniej dwie usługi w przedmiocie zamówienia o wartości nie niższej niż 300 000 zł brutto". Nie jest jednoznacznie określone czy Zamawiający uzna wymóg za spełniony jeśli sumaryczna wartość usług, co najmniej dwóch, zrealizowanych w okresie ostatnich trzech lat przed upływem terminu składania ofert wynosi co najmniej 300 000 zł brutto?

Czy też Wykonawca ma wykazać wykonanie co najmniej dwóch usług, których wartość każdej z nich ma wynosić co najmniej 300 000 zł brutto? Proszę o wyjaśnienie.

Odpowiedź:

Należy wykazać dwie usługi, każda o wartości co najmniej 300 000 zł brutto.

Pytanie 3)

Wykonawca ma również wykazać, że "posiada certyfikat(-y) potwierdzające doświadczenie, biegłość i rzetelność wykonywania techniki sekwencjonowania RNA". Czy Zamawiający uzna go za spełniony jeśli Wykonawca wykaże, że "działa w oparciu o System Zarządzania Jakością zgodny z wymaganiami ISO 9001:2015 w zakresie: Biobankowanie materiału biologicznego i realizacji usług z zakresu biologii molekularnej", w ramach którego ma udokumentowane doświadczenie z realizacji także usług z sekwencjonowania RNA?

Odpowiedź:

TAK

Pytanie 4)

Wykonawca ma także wykazać, że "istnieją publikacje naukowe w czasopismach znajdujących się na liście Journal Citation Reports, w których autorzy wykorzystali dane dostarczone przez usługodawcę". Co Zamawiający uzna za spełnienie tego warunku? - współautorstwo w takiej publikacji członka zespołu

Wykonawcy? Informację w Metodyce publikacji, że takie prace zostały wykonane przez Wykonawcę? Czy po prostu wskazanie przez Wykonawcę, że ta konkretna publikacja powstała w oparciu o dane wygenerowane przez Wykonawcę (bo nie zawsze zamawiający umieszcza informacje o wykonawcy w publikacji)?

Odpowiedź:

Zamawiający dopuszcza taką formę spełnienia warunku, jedynie w przypadku, gdy Wykonawca dołączy potwierdzenie od jednego z „autorów publikacji”, że faktycznie usługa została wykonana u tego Wykonawcy.

Pytanie 5)

W paragrafie 5 Umowy widnieje zapis "Ewentualne reklamacje będą zgłaszane przez Zamawiającego, drogą elektroniczną, na adres mailowy nie później niż w ciągu 10 dni roboczych, od daty otrzymania wyniku Usługi objętej danym Zamówieniem" ..."a Wykonawca zobowiązuje się do rozpatrzenia reklamacji w terminie 14 dni od daty jej otrzymania". Tymczasem w formularzu ofertowym pojawia się niespójny zapis: "3. Udzielamy gwarancji jakościowej na wykonana usługę (min. 12 miesięcy)".

Co Zamawiający rozumie przez taką gwarancję? Jeśli Zamawiający zaakceptował otrzymane dane (efekt usługi) i nie zgłosił zastrzeżeń/reklamacji w czasie wspomnianym w umowie, na podstawie czego usługa mogła w ogóle zostać rozliczona, to czy w ten sposób zostawia sobie pole na kolejne reklamacje w okresie min. 12 miesięcy po zakończeniu usługi? To najbardziej "kontrowersyjny" zapis w całym postępowaniu, proszę uprzejmie więc o wyjaśnienie.

Odpowiedź:

Zamawiający usuwa paragraf 6 z Projektu Umowy.

Pytanie 6)

W specyfikacji usługi odnośnie sekwencjonowania RNA - "wymagana minimalna liczba odczytów na próbę – 50 M, długość odczytów 150 bp, sparowane końce (PE150)". Proszę o jednoznaczne określenie czy Zamawiającemu chodzi o 50 M par odczytów (czyli na każdą ze stron) i w sumie 100 M sparowanych odczytów o długości 150 pz, czy też o 50 M sparowanych odczytów czyli 25 M par odczytów?

Odpowiedź:

50 M sparowanych odczytów czyli około 25 M par odczytów.

Pytanie 7)

Dostarczone RNA powinno spełniać konieczne wymogi wsadowe, według protokołu Illumina - np. stężenia (optymalnie co najmniej 20-25 ng/ul mierzonego fluorymetrycznie), objętości (co najmniej 30 ul) i parametru RIN >8. Dokonamy u siebie oceny jakościowej otrzymanego materiału przed wejściem w protokół przygotowania bibliotek. Jednak czy Zamawiający zapewnia spełnienie wspomnianych parametrów próbek, gdyż nigdzie w ofercie o tych kluczowych parametrach próbek, niezależnych od Wykonawcy, nie wspomina?

Odpowiedź:

W przypadku RNA z roślin próg RIN stosowany przez Wykonawców sekwencjonowania wynosił zazwyczaj 6, aczkolwiek dostarczane przez nas RNA miało RIN około 7-9. Stężenie było zdecydowanie powyżej progu minimalnego.

Pytanie 8)

Dopuszczenia możliwości podwykonawstwa. Czy zamawiający dopuszcza powierzenie poszczególnych etapów podwykonawcy na odpowiedzialność wykonawcy. Wykonawca zaświadczy iż laboratorium podwykonawcy działa zgodnie z wymaganiami (ISO 17025; ISO 9001:2015). Takie rozwiązanie pozwala

na przeniesienie odpowiedzialności na wykonawcę za kontakt/egzekwowanie od końcowego wykonawcy jednocześnie zapewniając zamawiającemu cenę "dystrybutora".

Odpowiedź:

Zamawiający nie dopuszcza podwykonawstwa.

Pytanie 9)

Czy zamawiający dopuszcza zmianę treści warunku III.1. Z "1) w okresie ostatnich trzech lat przed upływem terminu składania ofert, a jeżeli okres prowadzenia działalności jest krótszy – w tym okresie, wykonał należycie co najmniej dwie usługi w przedmiocie zamówienia o wartości nie niższej niż 300 000 zł brutto," na "1) w okresie ostatnich trzech lat przed upływem terminu składania ofert, a jeżeli okres prowadzenia działalności jest krótszy – w tym okresie, wykonał należycie co najmniej dwie usługi w przedmiocie zamówienia."

Kwota zamówienia nie ma znaczenia jeżeli chodzi o jakość wykonywanych usług. Jakość powinna być taka sama dla zamówień na 1 próbkę jak dla tych na 500 próbek. Wymaganie konkretnej kwoty, w tym wypadku 300 000 zł brutto faworyzuje konkretne duże firmy podwykonawców.

Odpowiedź:

Zamawiający nie zmienia warunków udziału w postępowaniu.

Pytanie 10)

Czy zamawiający dopuszcza zmianę treści warunku III. 2 z "posiada certyfikat(-y) potwierdzające doświadczenie, biegłość i rzetelność wykonywania techniki sekwencjonowania RNA." na "Wykonawca oświadczy iż usługa zostanie wykonana w laboratorium posiadającym certyfikat(-y) potwierdzające doświadczenie, biegłość i rzetelność wykonywania techniki sekwencjonowania RNA"

Odpowiedź:

Zamawiający nie zmienia warunków udziału w postępowaniu.

Pytanie 11)

Czy zamawiający dopuszcza usunięcie warunku III.3. Usługi wykonywane odpłatnie nie muszą być cytowane przez zamawiającego w publikacjach dlatego też wykonawca nie gromadzi takich informacji. Aktualna treść wymogów znacznie ogranicza udział w konkursie wykonawcom i faworyzuje konkretnych usługodawców, co godzi w poszanowanie zasad uczciwej konkurencji oraz równego traktowania w celu zapewnienia bezstronności i obiektywności wyboru wykonawcy usługi. Prosimy o odpowiedź na niniejsze zapytanie bez zbędnej zwłoki z uwzględnieniem terminu składania ofert, tj nie później niż do 13.06.2024.

Odpowiedź:

Zamawiający nie zmienia warunków udziału w postępowaniu.

Pytanie 12)

Mam pytanie dotyczące punktu trzeciego Zapytania ofertowego na usługę sekwencjonowania mRNA z wykorzystaniem platformy Illumina, wyizolowanego z liści łubinu białego dla Instytutu Genetyki Roślin PAN, w którym jest mowa o "udostępnieniu danych na serwerze oraz przesłaniu kopii na dysku twardym".

Czy w tym przypadku dyski twarde mają być dostarczone przez wykonawcę, czy przez zamawiającego?

Odpowiedź:

Dyski mają być dostarczone przez Wykonawcę, ich koszt ponosi Wykonawca.

Pytanie 13)

Rutynowo (również w wersji zautomatyzowanej), do przygotowania bibliotek do RNAseq stosujemy kit KAPA RNA Hyper Prep + Ribo, w którym pozbywamy się rRNA (oligo (20-50nt) specyficzne dla rRNA), a nie wyławiamy mRNA (po oligo(dT)). Czy dopuszczacie Państwo użycie takiego kitu?

Odpowiedź:

Zamawiający nie dopuszcza zastosowania wskazanego kitu.

Zatwierdzam

Dyrektor
Instytutu Genetyki Roślin
Polskiej Akademii Nauk
/-/

Prof. dr hab. Paweł Krajewski
/podpisano elektronicznie/