



Strzeszyńska 34, 60-479 Poznań

Tel. centrala: 61 6550200, sekretariat: 61 6550255 E-mail: office@igr.poznan.pl

www.igr.poznan.pl

NIP: 7811621455 REGON: 000326204

numer sprawy: IGR/ZP/066/5/2018

Poznań, 18 czerwca 2018 r.

Uczestnicy postępowania

Zamawiający przekazuje treść pytań, które wpłynęły od Wykonawców wraz z odpowiedziami w postępowaniu prowadzonym w trybie zapytania ofertowego w przedmiocie **usługi sekwencjonowania transkryptomów metodą NGS, z zastosowaniem technologii Illuminy.**

Pytanie 1

Jaka jest planowana liczba wysyłek 36 próbek (jedna czy np. sukcesywnie co miesiąc)?

Odpowiedź

Próbki zostaną wysłane jeden raz.

Pytanie 2

Jaki protokół sekwencjonowania jest wymagany: TruSeq stranded mRNA czy TruSeq Stranded Total RNA with Ribo-Zero Plant?

Odpowiedź

Zamawiający dopuszcza obydwa protokoły sekwencjonowania.

Pytanie 3

Czy ilość RNA będzie w ilości $\geq 2 \mu\text{g}$ RNA, w stężeniu $\geq 20 \text{ ng}/\mu\text{L}$, objętości min. $10 \mu\text{L}$, RIN ≥ 8 , OD 260/280 ~ 2.0 ., z dostarczonym opisem odnośnie wyników pomiaru?

Odpowiedź

Tak.

Pytanie 4

W umowie Par 1 ust 2 c:

jest zapis:

c) sekwencjonowanie w trybie sparowanych odczytów:

2x100 bp, przy zakładanej liczbie odczytów min. 35 mln na próbę wykonane zestawem dedykowanym dla technologii Illuminy (HiSeq4000)

Prosimy o wyrażenie zgody na zapis:

c) sekwencjonowanie w trybie sparowanych odczytów:

2x100 bp, przy zakładanej liczbie odczytów min. 35 mln na próbę wykonane zestawem dedykowanym dla technologii Illuminy (HiSeq4000 lub **NovaSeq6000**)

Odpowiedź

Zamawiający wyraża zgodę na zaproponowaną zmianę. W związku z powyższym:

§ 1 ust 2 lit. c) oraz pkt 1.1) c) Ogłoszenia otrzymują brzmienie:

„c) sekwencjonowanie w trybie sparowanych odczytów:

- 2x100 bp, przy zakładanej liczbie odczytów min. 35 mln na próbę wykonane zestawem dedykowanym dla technologii Illuminy (HiSeq4000 lub NovaSeq6000)”

pkt 3.2) b) Ogłoszenia otrzymuje brzmienie:

„a) Sekwenatory Illumina HiSeq4000 lub NovaSeq6000 (w zależności od złożonej oferty – min. 2 szt.”

Pytanie 5

W Par 1 ust 2 e umowy jest zapis:

e) udostępnianie danych poprzez odpowiednio szybki serwer internetowy

Prosimy o wyrażenie zgody na zapis:

e) udostępnianie danych poprzez odpowiednio szybki serwer internetowy **lub na zwrotnym dysku HDD**

Odpowiedź

Zamawiający wyraża zgodę na zaproponowaną zmianę. W związku z powyższym:

§ 1 ust 2 lit. e oraz pkt 1.1) e) Ogłoszenia otrzymują brzmienie:

„e) udostępnianie danych poprzez odpowiednio szybki serwer internetowy lub na zwrotnym dysku HDD.”

Pytanie 6

Umowa Par 6 ust 1 a:

Prosimy o wyrażenie zgody na zmniejszenie kary z 1% na 0,01%, aby wprowadzić symetryczność zapisów w umowie po obu stronach. (Oдноśnie opóźnień w płatnościach za faktury możemy naliczać mniejsze kary).

Odpowiedź

Zamawiający nie wyraża zgody na zmianę treści zapisu § 6 ust 1 lit. a umowy. Zamawiający nadmienia, że jest terminowym płatnikiem.

Pytanie 7

Umowa Par 6 ust 1 b:

Prosimy o wyrażenie zgody na zmniejszenie kary z 2% na 0,02%.

Odpowiedź

Zamawiający nie wyraża zgody na zmianę treści zapisu § 6 ust 1 lit. b umowy.

Pytanie 8

Umowa Par 6 ust 1 c:

Prosimy o wyrażenie zgody na zmniejszenie kary z 10% na 5%.

Odpowiedź

Zamawiający nie wyraża zgody na zmianę treści zapisu § 6 ust 1 lit. c umowy.

Pytanie 9

Prosimy o wyrażenie zgody na możliwość zastosowania urządzeń równoważnych.

Odpowiedź

Zamawiający wyraża zgodę na zastosowanie urządzeń równoważnych w zakresie następujących urządzeń: cBot, Bioanalyzer, Tapestation, CaliperGx.

W związku z powyższym pkt 3.2) Ogłoszenia otrzymuje brzmienie:

"2) dysponuje niżej wymienionymi wysokowydajnymi urządzeniami do przygotowania i estowania jakości bibliotek RNA:

- a) Sekwenatory Illumina HiSeq4000 lub NovaSeq6000 – min. 2 szt.
- b) cBot (przygotowywanie biblioteki i populacja komory) lub równoważny – 1 szt.
- c) Bioanalyzer (kontrola jakości) lub równoważny – 2 szt.
- d) Tapestation (kontrola jakości) lub równoważny – 2 jednostki
- e) CaliperGx (kontrola jakości) lub równoważny – 2 jednostki"

Pytanie 10

Czy strona zamawiająca byłaby skłonna rozważyć zmianę platformy z HiSeq4000 na NovaSeq? W chwili obecnej niemożliwe jest zaoferowanie realizacji usługi w określonym przedziale czasowym. Jest to związane ze spodziewanym, znacznym obciążeniem tych platform w nadchodzących miesiącach.

Odpowiedź

Zamawiający nie dostosowuje swoich potrzeb do możliwości Wykonawcy. Nie mniej jednak, zgodnie z odpowiedzią na pytanie nr 4, Zamawiający dopuszcza zarówno platformę HiSeq4000, jak i NovaSeq6000.

Pytanie 11

W ogłoszeniu ofertowym precyzujemy ilość odczytów na 35 M na próbkę. Ponieważ nie jest możliwe dokładne przewidzenie ilości danych na próbkę, sugerowałbym określenie ilości danych na "nie mniej niż 35 mln par odczytów na próbkę).

Odpowiedź

Zamawiający wyraża zgodę na zaproponowaną zmianę. W związku z powyższym:

§ 1 ust 2 lit. c tiret 1 oraz pkt 1.1) c) tiret 1 Ogłoszenia otrzymują brzmienie:

- „2x100 bp, przy zakładanej liczbie odczytów nie mniej niż 35 mln par odczytów na próbkę wykonane zestawem dedykowanym dla technologii Illuminy (HiSeq4000 lub NovaSeq6000)”

kolumna „a” w załączniku nr 2 do Ogłoszenia – Formularz cenowy otrzymuje brzmienie:

„Przygotowanie bibliotek typu "starnded", sekwencjonowanie w trybie sparowanych odczytów: 2x100 bp przy zakładanej liczbie odczytów nie mniej niż 35 mln par odczytów na próbkę wykonane zestawem Illumina 4000 lub 6000”.

Pozostałe zapisy Dokumentacji pozostają bez zmian.

Powyższe odpowiedzi należy uwzględnić przy składaniu ofert.

p.o. Zastępcy Dyrektora
ds. Administracyjnych

mgr Joanna Dutkiewicz